

# **Klausurvorbereitung Genetik**

## **1. *Klassische Genetik***

- 1.1. multiple Allelie
- 1.2. Kodominanz:
- 1.3. Dominanz:
- 1.4. Penetranz:
- 1.5. Expressivität:
- 1.6. Pleiotropie / Polyphänie:
- 1.7. Rezessivität:
- 1.8. Pseudodominanz:
- 1.9. Heterozygotentest:
- 1.10. X-chromosomale rezessive Vererbung:
- 1.11. Mitochondriale Vererbung
- 1.12. Genkopplung
- 1.13. Heterogenie
- 1.14. Epistasie

## **2. *Genetic mapping – physical mapping***

### **3. *Marker***

- 3.1. SNP's
- 3.2. Haplotyp

### **4. *Association studies***

### **5. *Physical Mapping***

### **6. *Radiation hybrid mapping***

### **7. *Genbibliotheken***

### **8. *Genetik & Statistik***

- 8.1. Hardy-Weinberg-Gleichgewicht

- 8.2. Rekombinationsrate
- 8.3. Genetische Distanz
- 8.4. Lod-Score
- 8.5. Kopplungsgleichgewicht
- 8.6. Kopplungsanalyse
- 8.7. Maximum-Likelihood-Estimation

## **9. *Molekulare Pathologien***

- 9.1. Chromosomale Pathologien
- 9.2. Strukturelle Pathologien
- 9.3. Dominant-negativer Effekt

## **10. *Location scores***

## **11. *Assoziation***

## **12. *Polygene Modelle***

## **13. *Mitochondrien-Genetik***

- 13.1. Polyplasmie

## **14. *Praktikum – Stammbaumanalyse***

- 14.1. Penetranz
- 14.2. imprinted Characters
- 14.3. X-Inactivation

## **15. *comparative Genomics***

- 15.1. HOX-Gene